

---

개수 추론형

Schema 1

염기의 분류

[중요도 ★★★]

- 염기 조성 자료는 크게 두 가지로 분류할 수 있다.

		S	
		염기 조성	
		비율	정량값
$A$			
			$A^C$

정량값 (정확한 개수)으로 주어진 상황을 판단해야 할 수도 있으나  
비율 관점에서 끝냈을 때 간결할 수 있다.

- 염기 종류는 수소 결합 총개수를 기준으로 분류할 수 있다.

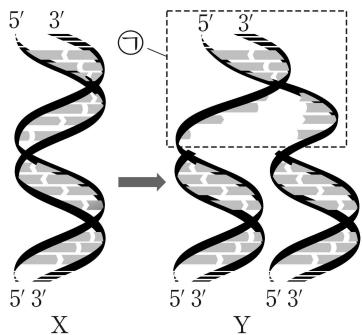
		S	
		염기	
		GC	ATU
$A$		HB 3	HB 2
			$A^C$

이때 염기 중에서도 GC 염기 조성을 우선으로 생각하고  
ATU 염기 조성은 전체 염기 조성의 여사건으로 생각하는 게 유리하다.

$\because$  GC 염기 비율은 ① 이중 가닥, ②에 포함되는 단일 가닥, 주형 가닥에서 모두  
동일

개수 추론형  
Schema 1  
염기의 분류

예



- Y는 X가 50% 복제되었을 때의 DNA이다.
- Y를 구성하는 뉴클레오파이드는 모두 2400개이다.
- Y에서 새로 합성된 DNA 가닥의 G+C 함량은 35%이고, Y에서 복제되지 않은 부분 ①의 G+C 함량은 45%이다.

다음 선지의 정오를 판정하시오.

- X에서  $\frac{A+T}{G+C} = \frac{3}{2}$  이다.

GC 함량은 같은 구간 내 복제 주형 가닥, 이중 가닥, 이중 가닥에 포함되는 단일 가닥에서 변하지 않는다. 따라서 그림 1과 그림 2의 DNA 가닥의 GC 함량은 각각 동일하다.

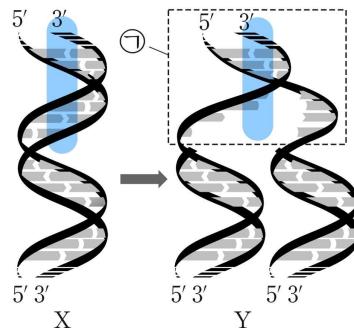


그림 1

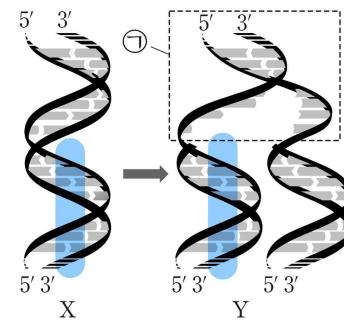


그림 2

Y는 X가 50% 복제된 DNA이므로

그림 1에서 표시된 X의 염기 개수와 그림 2에서 표시된 X의 염기 개수는 동일하다.

이는 DNA X의 전체 염기 중 절반의 GC 함량은 35%, 나머지 절반의 GC 함량은 45%라는 것을 의미하고

따라서 X의 GC 함량은  $35\% \times \frac{1}{2} + 45\% \times \frac{1}{2} = 40\%$  이다.

∴ DNA 2중 가닥인 X에는 유라실(U)이 없다.

∴ X의 AT 함량은 60%이고, 주어진 선지는 타당하다.

개수 추론형  
Schema 1  
염기의 분류

[일반화]

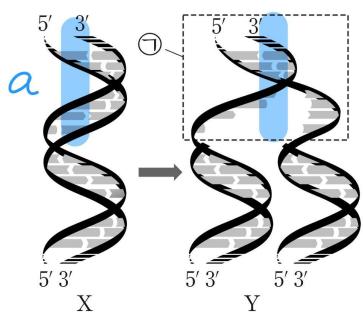


그림 1

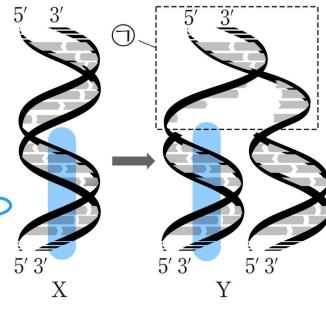


그림 2

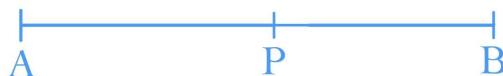
- ⑦에 상응하는 DNA 가닥의 염기 개수 : 새로 합성된 DNA 가닥의 염기 개수 =  $a:b$   
 ⑦에 상응하는 DNA 가닥의 G+C 함량 : 새로 합성된 DNA 가닥의 G+C 함량 =  $m:n$   
 라 하자. (단,  $m+n=100$ 이다.)

이는 DNA X의 전체 염기 중  $\frac{a}{a+b}$ 에 해당하는 가닥의 GC 함량은  $m\%$ , DNA X의

나머지 염기인  $\frac{b}{a+b}$ 에 해당하는 가닥의 GC 함량은  $n\%$ 라는 것을 의미한다.

따라서 X의 GC 함량은  $m\% \times \frac{a}{a+b} + n\% \times \frac{b}{a+b} = \frac{am+bn}{a+b}\%$  이다.

이때 다음이 성립한다.



A( $x_1$ ), B( $x_2$ )에 대해 선분 AB를  $m:n$ 으로 내분하는 점을 P( $x$ )라고 하면

$$x - x_1 : x_2 - x = m : n \text{ 이므로 } x = \frac{mx_2 + nx_1}{m+n} \text{이다.}$$

이는 A, B, P의 GC 함량과 염기 개수비 중 둘만 주어져도  
 나머지 값을 내분율 활용해 암산할 수 있다는 것을 의미한다.

[Mind - 3 中 2]

보편적으로 제시되는 3개 중 2개를 알면 나머지 하나도 구해낼 수 있다라는 생각 방식

- ① A의 GC 함량과 염기 개수(상댓값)
- ② B의 GC 함량과 염기 개수(상댓값)
- ∴ P의 GC 함량과 염기 개수(상댓값)

개수 추론형  
Schema 2  
비례상수

[중요도 ★★★]

– 적절히 요소 간 비를 내포하는 비례상수를 활용하여 첫 번째 *Setting*을 행하고

		S
		염기 조성
비율 1 <sup>st</sup>	→ ㊂	정량값 2 <sup>nd</sup>
A		A <sup>c</sup>

필요하면 정량값 (정확한 개수)로 변환할 수 있다.

이때 변환하는 방식에는

비율 관점에서 끝냈을 때 간결할 수 있다.

– ㊂(변환)을 행하는 방식에는 보정과 통일이 있다.

		S
		㊂(변환)
보정 at 곱상수	→ ㊂	통일 at LCM
A		A <sup>c</sup>

곱상수는 비율은 정확한 개수 or 또 다른 비율로 매개해주는  $\times k$ 를 의미하고  
*LCM*은 두 상수의 *Scale*을 보정해주는 최소공배수를 의미한다.

예) 비례상수 2, 실제 염기 개수 100개  $\Rightarrow$  곱상수(보정상수)  $\times 50$

비례상수 2와 9의 관계를 관찰하는 *Setting*

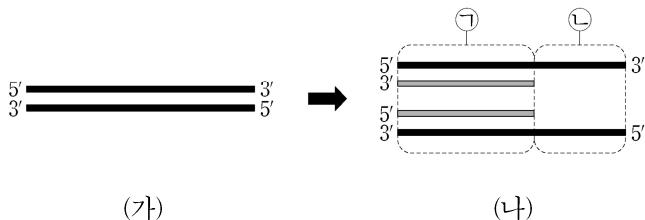
- ① 양 숫자에 역수 비를 곱상수 처리한다. (보정)
- ② 양 숫자를 *LCM*으로 통일한다. (통일)

개수 추론형  
Schema 2  
비례상수

예

다음은 어떤 세포에서 일어나는 DNA X의 복제에 대한 자료이다.

- 그림 (가)는 DNA X를, (나)는 X가 복제되는 과정의 일부를 나타낸 것이다.
- (나)는 ① 복제된 부분과 ② 복제되지 않은 부분을 나타낸 것이며, ①은 새로 합성된 가닥과 그에 대한 상보적인 주형 부분을 포함한다.
- ①에서 새로 합성된 가닥의 G+C 함량은 40 %이다.
- ②의 염기 개수는 X의 염기 개수의 40%이다.
- ②에서 A+T 함량은 60 %이다.
- ②에서 구아닌(G)의 개수는 180개이다.



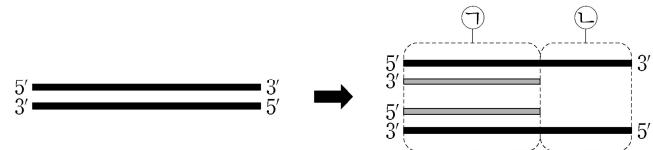
다음 정오를 판단하시오

(단, 돌연변이는 고려하지 않는다.)

- 1) X에서  $\frac{A+T}{G+C} = \frac{3}{2}$  이다.
- 2) ②에서 사이토신(C) 개수 + 타이민(T)의 개수 = 450개이다.

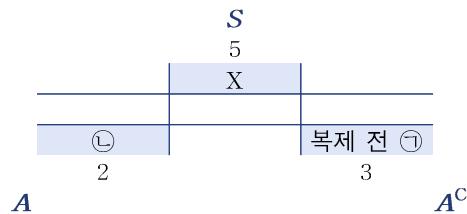
개수 추론형  
Schema 2  
비례상수

[해설]

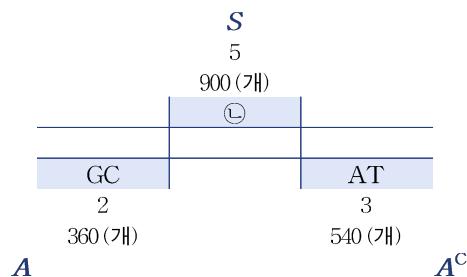


(가)

⑦의 개수는 X의 염기 개수의 40%이므로 2로 Setting하면 ⑦은 6에, X는 5에 대응된다.



⑦에서 구아닌(G)의 개수가 180개이고, ⑦에서 A+T 함량은 60%이므로  
⑦에서 구아닌(G) 함량은 20%이고, ⑦에서 염기 개수는 900개이다.



⑦에서 새로 합성된 가닥의 G+C 함량은 40%이고 ⑦과 ⑦의 G+C의 함량이 동일하므로  
X의 G+C 함량도 40%이다.

---

개수 추론형  
Schema 2  
비례상수

---

[정답]

1) X에서  $\frac{A+T}{G+C} = \frac{3}{2}$ 이다.

X의 G+C 함량이 40%이므로 맞는 선지이다.

2) ①에서 사이토신(C) 개수 + 타이민(T)의 개수 = 450개이다.

②에서 피리미딘 계열 염기의 함량은 50%이므로 ②의 염기 개수는 900개이므로  
②의 피리미딘 계열 염기 개수는 450개이다.

---

---

개수 추론형  
Schema 2  
비례상수

---

예

- DNA X는 300개의 염기쌍으로 구성된다.
- X에서  $\frac{A+T}{G+C} = \frac{3}{2}$ 이다.
- X의 한 단일 가닥 X<sub>1</sub>에서 사이토신(C)의 비율은 24%이고, 피리미딘 계열 염기의 비율은 52%이다.

X<sub>2</sub>에서 아데닌(A) 개수는?

---

개수 추론형  
Schema 2  
비례상수

Sol)

주어진 상황을 ① 비율로 정리하면 다음과 같다.

%	A	T	G	C	계
X <sub>1</sub>	32	28	16	24	100

주어진 상황을 ② 정량값으로 정리하면 다음과 같다.

개수	A	T	G	C	계
X <sub>1</sub>	96	84	48	72	300

비율로 상황을 인지한 후, 정확한 값이 필요할 때만 정량값으로 끌고가는 게 효율적일 수 있으며 비율과 정량값을 곱상수를 도입하여 매개할 수 있다.

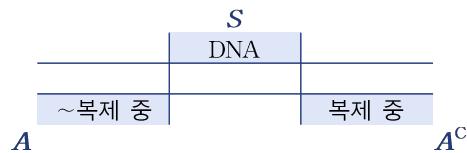
×3 (곱상수)	A	T	G	C	계
X <sub>1</sub> 염기 비율	32	28	16	24	100
X <sub>1</sub> 염기 개수	32×3	28×3	16×3	24×3	100×3

∴ X<sub>2</sub>에서 아데닌(A) 개수는 84개이다.

개수 추론형  
Schema 3  
절반 기준

[중요도 ★★★]

- 출제되는 DNA 자료는 다음과 같이 분류할 수 있다.



일반적인 DNA 2종 가닥에서

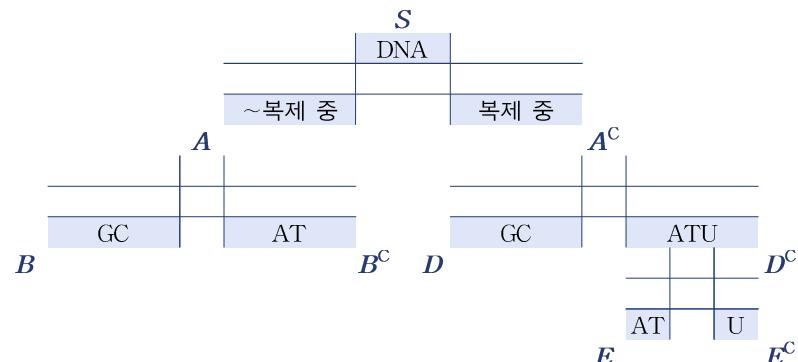
아데닌(A) 개수 = 타이민(T) 개수

구아닌(G) 개수 = 사이토신(C) 개수이고

복제 중인 DNA의 이중 가닥에서

아데닌(A) 개수 = 타이민(T) 개수 + 유라실(U) 개수

구아닌(G) 개수 = 사이토신(C) 개수이다.



- 두 자료 모두 이중 가닥에서 ATU 염기 중 아데닌(A)이 절반이며 GC 염기 중 구아닌(G)과 사이토신(C)의 개수는 각각 절반이다.

- ATU 염기 조성이 설정된 전체일 때



아데닌 개수를 여사건으로 활용하여

타이민(T) 개수나 유라실(U) 개수를 추론할 수 있다.